



【 開 催 要 領 】

第 251 回農林交流センターワークショップ

次 世 代 シー ケ ン サ ー の デ ー タ 解 析 技 術

令和 8 年 11 月 11 日(水)～11 月 13 日(金)

内 容	近年、次世代シーケンサー（NGS）が広く利用されるようになり、農学など応用系の分野でも大量塩基配列データを扱う必要性は急速に高まりました。NGS による塩基配列決定は低コスト化が進み、自らデータを取得しかつ解析することが多くの研究過程で求められています。 本ワークショップでは、農林水産生物に関わる研究者が、実習を通して NGS データ解析の実際を知り、NGS データを扱う実践的な力を身につけることを目標とします。コマンドラインでのさまざまなデータ解析を学び、NGS データ解析の全体像を理解していただくことを目指します。
期 間	令和 8 年 11 月 11 日（水）～11 月 13 日（金） 3 日間
開 催 場 所	農林水産省農林水産技術会議事務局 筑波産学連携支援センター 情報通信共同利用館（電農館）3 階セミナー室（茨城県つくば市観音台 2-1-9）
主 催	農林水産省農林水産技術会議事務局 筑波産学連携支援センター 国立研究開発法人農業・食品産業技術総合研究機構 高度分析研究センター
対 象	産学官の試験研究機関の研究者で、次世代シーケンサーのデータ解析技術に関心のある方 ※Linux/Unix の基礎的なコマンドを理解し操作できて、例えば、less コマンドの扱いなどに説明を要しないことを前提とします。申し込み多数の場合、実データを所有し、すぐに解析の必要性のある方を優先します（ネットワーク環境は、こちらで準備したものをご使用いただきます。）。
募 集 人 数	20 名（全日程に参加することとし、代理の方の参加は認めていません。）
申 込 方 法	当筑波産学連携支援センターのホームページより、お申込みください。 ※ご所属機関で参加希望者を取りまとめて申し込みされる場合は、ホームページより申込書とアンケートをダウンロード後、ご所属機関の窓口にご提出いただき、ご所属機関の窓口から koryu7129@maff.go.jp 宛てにお申し込みいただきますようお願いいたします。
応 募 〆 切 り	令和 8 年 10 月 4 日（日曜日）まで
受 講 者 決 定	令和 8 年 10 月 9 日頃、メールにてお知らせいたします。
参 加 費	無料 ※受講後のアンケート回答は必須です（5～15 分程度）。
そ の 他	以下の条件を満たすノートPCをご持参ください。 - OS：Windows11／MacOS ver15.0以降／Linux Ubuntu 22.04 LTS 以降 または同等のLinuxディストリビューション - Wi-Fi接続可能で、SSHによりリモートサーバへ接続できること Windows：PowerShell(OpenSSH) またはMobaXtermなど macOS：Terminal.app、iTerm2など Linux：標準ターミナル ※OSは、最新の状態で更新してご持参ください。 ※トラブル対処のため、管理者権限でもログイン可能なノートPCをご持参ください。 ※ファイアウォール設定などでインターネットやTCP 22番ポート(SSH)への通信が制限されていないこと その他ご不明な点がございましたら、下記担当者までご連絡ください。

（お申し込み・お問い合わせ先）

〒305-8601 茨城県つくば市観音台 2-1-9

農林水産技術会議事務局筑波産学連携支援センター コーディネーション推進課 担当者

TEL：029-838-7136 E-mail：koryu7129@maff.go.jp

【日程表】

第 251 回農林交流センターワークショップ
次 世 代 シーケンサーのデータ解析技術
 令和 8 年 11 月 11 日(水)～11 月 13 日(金)

11 月 11 日 (水)

9:30-9:35	開 講	本ワークショップについて	川原 善浩
9:35-10:30	実 習	NGSデータ概論	川原 善浩
10:30-12:00	実 習	ゲノムシーケンシングデータを処理する (1)	熊谷 真彦
13:00-14:30	実 習	ゲノムシーケンシングデータを処理する (2)	熊谷 真彦
14:40-15:40	特別講義1	演題未定	川崎 純菜
15:40-16:40	特別講義2	演題未定	ジェフリ フォーセット

※特別講義 1、2 につきましては、現在調整中です。演題及び講師情報が確定し次第ホームページを更新いたしますので、そちらでご確認ください。

11 月 12 日 (木)

9:30-12:00	実 習	VCFデータを“いじってあそぼ！” ～分子系統解析やら集団遺伝学的解析をやってみる時間～	矢崎 裕規
13:00-16:00	実 習	ゲノム新規アセンブル	矢野 亮一

11 月 13 日 (金)

9:30-12:00	実 習	メタゲノム解析の基礎	熊谷 真彦
13:00-16:00	実 習	RNA-Seqによる大量発現データ解析	川原 善浩
16:00	閉 講		

【ワークショップ講師】 (◎ : コーディネーター)

- | | | | |
|---------|--------------|--------------------------|-------|
| ◎ 川原 善浩 | 農研機構基盤技術研究本部 | 高度分析研究センターゲノム情報大規模解析グループ | グループ長 |
| ◎ 熊谷 真彦 | 農研機構基盤技術研究本部 | 高度分析研究センターゲノム情報大規模解析グループ | 主任研究員 |
| 矢野 亮一 | 農研機構基盤技術研究本部 | 高度分析研究センターゲノム情報大規模解析グループ | 上級研究員 |
| 矢崎 裕規 | 農研機構基盤技術研究本部 | 高度分析研究センターゲノム情報大規模解析グループ | 主任研究員 |

【特別講義 : 講師】 ジェフリ フォーセット (確認中)

【特別講義 : 講師】 川崎 純菜 大阪大学 特任准教授