



## 【 開催要領 】

第 227 回農林交流センターワークショップ

## 次世代シーケンサーのデータ解析技術 (オンライン講習会)

令和 3 年 9 月 16 日(木)～9 月 17 日(金)

|           |  |
|-----------|--|
| 内 容       | <p>近年、次世代シーケンサー（NGS）が広く利用されるようになり、農学など応用系の分野でも大量塩基配列データを扱う必要は急速に高まりました。NGS による塩基配列決定は低コスト化が著しいことから、自らデータを取得しかつ解析することが多くの研究過程で必須となっています。</p> <p>本ワークショップでは、農林水産生物に関わる研究者が、実習を通して NGS データ解析の実際を知り、NGS データを扱う実践的な力を身につけることを目標とします。コマンドラインでのデータ解析を学び、また、我々が公開しているウェブサービスを利用することにより、NGS データ解析の全体像を理解していただくことを目指します。</p> |
| 期 間       | 令和 3 年 9 月 16 日（木）～9 月 17 日（金）   |
| 受 講 方 法   | 農林水産省農林水産技術会議事務局 筑波産学連携支援センターからライブ配信にて開催。インターネット環境と PC があれば、自席からご参加頂けるオンライン形式です。   |
| 主 催       | 農林水産省農林水産技術会議事務局筑波産学連携支援センター<br>国立研究開発法人 農業・食品産業技術総合研究機構 高度分析研究センター  |
| 対 象       | <p>産学官の試験研究機関の研究者で、次世代シーケンサーのデータ解析技術に関心のある方</p> <p>※Linux/Unix の基礎的なコマンドを理解し操作できて、例えば less コマンドの扱いなどに説明を要しないことを前提とします。実習はサーバーにログインして行うため、ウィンドウズにおける TeraTerm のような端末など必要なプログラムを自力でインストールして事前に環境整備できること、セキュアな接続のために固定 IP アドレスを準備可能なことも要件とします。申し込み多数の場合、実データを所有してすぐに解析の必要性のある方を優先します。</p>                             |
| 募 集 人 数   | 20 名（全日程に参加することとし、代理の方の参加は認めていません）   |
| 日 程       | 日程表（別紙）※全日程に参加することとし、代理の方の参加は認めていません。  |
| 申 込 方 法   | <p>○農林水産省関係の国立研究開発法人等に所属している方<br/>筑波産学連携支援センターのホームページから「申込書・アンケート」をダウンロードし、所属機関の窓口を通じてお申し込み下さい。</p> <p>○上記以外の方（大学・公立研究機関・民間企業等に所属している方）<br/>筑波産学連携支援センターのホームページより、お申し込み下さい。</p>  |
| 応 募 〆 切 り | 令和 3 年 8 月 5 日（木曜日）まで  |
| 受 講 者 決 定 | 令和 3 年 8 月 18 日頃、メールにてお知らせいたします。   |
| 参 加 費     | 無料 ※受講後のアンケート回答は必須です（5～15 分程度）。  |
| そ の 他     | <p>Web カメラは不要ですが、マイク機能のついたノート PC または、ヘッドセットをご用意下さい。</p> <p>本講習会は Adobe Connect で開催致しますが、インストールの必要はありません。</p> <p>受講者は Chrome / FireFox / Edge / Safari いずれかのブラウザから接続して頂きます。</p>   |

(お申し込み・お問い合わせ先)

〒305-8601 茨城県つくば市観音台 2-1-9

農林水産技術会議事務局筑波産学連携支援センター コーディネーション推進課 鈴木、木暮（きぐれ）

TEL : 029-838-7136 FAX : 029-838-7204 E-mail : koryu7129@cc.affrc.go.jp

## 【日程表】

第 227 回農林交流センターワークショップ  
次世代シーケンサーのデータ解析技術  
令和 3 年 9 月 16 日(木)~9 月 17 日(金)

## 9 月 16 日 (木)

|             |    |                      |       |
|-------------|----|----------------------|-------|
| 9:00- 9:05  | 挨拶 | 本ワークショップについて         | 坂井 寛章 |
| 9:05-10:00  | 実習 | ログイン準備、NGSデータ概説      | 坂井 寛章 |
| 10:00-12:00 | 実習 | ゲノムのリシーケンシングデータを処理する | 坂井 寛章 |
| 13:00-16:30 | 実習 | ゲノムの新規アセンブル          | 矢野 亮一 |
| 16:30-17:00 | 実習 | 質疑応答                 | 熊谷 真彦 |

## 9 月 17 日 (金)

|             |    |                          |       |
|-------------|----|--------------------------|-------|
| 9:00-12:00  | 実習 | RNA-Seqによる大量発現データ解析      | 川原 善浩 |
| 13:00-14:00 | 実習 | NGSデータ解析のGalaxyによる実現 (1) | 熊谷 真彦 |
| 14:00-15:30 | 実習 | NGSデータ解析のGalaxyによる実現 (2) | 熊谷 真彦 |
| 15:30-16:00 | 実習 | 質疑応答                     | 熊谷 真彦 |

## 【ワークショップ講師】 (◎ : コーディネーター)

- ◎坂井 寛章 (農研機構 高度分析研究センター ゲノム情報大規模解析ユニット ユニット長)
- ◎熊谷 真彦 (農研機構 高度分析研究センター ゲノム情報大規模解析ユニット 主任研究員)
- 矢野 亮一 (農研機構 高度分析研究センター ゲノム情報大規模解析ユニット 上級研究員)
- 川原 善浩 (農研機構 高度分析研究センター ゲノム情報大規模解析ユニット 主任研究員)