



【開催要領】

第206回農林交流センターワークショップ 次世代シーケンサーのデータ解析技術 平成29年10月11日(水)～10月13日(金)

内 容：近年、次世代シーケンサー（NGS）が広く利用されるようになり、農学など応用系の分野でも大量塩基配列データを扱う必要は急速に高まっています。NGSによる塩基配列決定は低コスト化が著しいことから、既に非常に大きなデータを抱えてしまっている方は多く、単にセミナーを聴講して情報収集をするだけでは十分な対応ができなくなっています。本ワークショップでは、農林水産生物に関わる研究者が、実習を通してNGSデータ解析の実際を知り、また経験者の最新情報を聴講することで、幅広い研究者がNGSデータを扱う基礎的な力を身につけることを目標とします。データ解析の基礎的な知識から説き起こし、一般的なコマンドラインでのデータ解析を経て、我々が公開しているウェブサービスを利用することにより、ユーザーにNGSデータ解析の全体像を理解していただくことを目指します。

期 間：平成29年10月11日（水）～10月13日（金）

場 所：農林水産省農林水産技術会議事務局 筑波産学連携支援センター
情報通信共同利用館（電農館）3階 セミナー室（つくば市観音台2-1-9）
（10月11日（水曜日）10時30分～12時の講義は電農館3階 VCホール）

主 催：農林水産省 農林水産技術会議事務局筑波産学連携支援センター
国立研究開発法人 農業・食品産業技術総合研究機構 高度解析センター

対 象：産学官の試験研究機関の研究者で、次世代シーケンサーのデータ解析技術に関心のある方
（10月11日（水曜日）の10時30分～12時の講義には、一般の方もご参加いただけます。）

募 集 人 数：30名

日 程：日程表（別紙）※全日程に参加することとし、代理の方の参加は認めていません。

申 込 方 法：下記により9月8日（金）までにお申し込み下さい（必着）。

- 農林水産省関係の国立研究開発法人等に所属している方
筑波産学連携支援センターのホームページから「申込書・アンケート」をダウンロードし、所属機関の窓口を通じてお申し込み下さい。
- 上記以外の方（大学・公立研究機関・民間企業等に所属している方）
筑波産学連携支援センターのホームページのお申し込みフォーム
（<https://pursue.dc.affrc.go.jp/form/fm/tbh/206sequencer>）からお申し込み下さい。
（なお、申込書に記載の個人情報は本ワークショップに係る事以外に使用することはありません。）

※10/11(水)10:30-12:00の一般聴講可講義のお申込みは、筑波産学連携支援センターホームページ内のお申し込みフォーム
（https://pursue.dc.affrc.go.jp/form/fm/tbh/206open_lecture）からお申し込み下さい。
ワークショップのお申込みとは異なりますので、ご注意ください。一般聴講可講義のお申込み締め切りは9月28日（木）迄です。
ただし定員に達した時点で締め切りとします。

受講者決定：9月22日頃、メールにてお知らせいたします。

参 加 費：無料 ※受講後のアンケート回答は必須です（5～15分程度）。

交通・宿泊費等：各自負担（筑波産学連携支援センターの研修生宿泊施設をご利用頂けます。）
宿泊施設予約の有無は、受講決定後にお伺いします。

（お申し込み・お問い合わせ先）

〒305-8601 つくば市観音台2-1-9

農林水産技術会議事務局 筑波産学連携支援センター

コーディネーション推進課 鈴木、木暮（きぐれ）

TEL：029-838-7136 FAX：029-838-7204 E-mail：koryu7129@cc.affrc.go.jp

【日程表】

第206回農林交流センターワークショップ
次世代シーケンサーのデータ解析技術
 平成29年10月11日(水)～10月13日(金)

10月11日(水)

10:25-10:30	挨拶	農林水産技術会議事務局筑波産学連携支援センター コーディネーション推進課長挨拶	加藤 隆
10:30-12:00	講義	Oxford Nanoporeシーケンサーの基礎原理と MinION、GridIONの紹介と開発ロードマップ (一般聴講可)	宮本 真理
13:00-13:10	講義	本ワークショップのねらい	伊藤 剛
13:10-14:00	実習	NGSデータの基礎知識	田中 剛
14:00-15:30	実習	Rによる統計解析の基礎	伊藤 剛
15:30-17:00	実習	ゼロからはじめるNGSデータ解析	沼 寿隆

10月12日(木)

9:00-11:00	実習	ゲノムシーケンシングデータを処理する	坂井 寛章
11:00-12:00	講義	MacでNGSデータ解析環境を構築する	伊藤 剛
13:00-15:00	実習	ゲノム新規アセンブルの方法論	坂井 寛章
15:00-17:00	実習	RNA-Seqによる大量発現データ解析の基礎	川原 善浩

10月13日(金)

9:00-11:00	実習	初心者でもGalaxyで簡単解析	熊谷 真彦
11:00-12:00	講義	植物-病原菌相互作用研究におけるNGSの活用例	吉田 健太郎
13:00-15:00	実習	複雑なNGSデータ解析のGalaxyによる実現	田中 剛

【講師】 (◎ : コーディネーター)

- ◎伊藤 剛 (農研機構 高度解析センター ゲノム情報大規模解析チーム チーム長)
- ◎田中 剛 (農研機構 高度解析センター ゲノム情報大規模解析チーム 主任研究員)
- 沼 寿隆 (農研機構 高度解析センター ゲノム情報大規模解析チーム 主任研究員)
- 坂井 寛章 (農研機構 高度解析センター ゲノム情報大規模解析チーム 主任研究員)
- 川原 善浩 (農研機構 高度解析センター ゲノム情報大規模解析チーム 主任研究員)
- 熊谷 真彦 (農研機構 高度解析センター ゲノム情報大規模解析チーム 任期付研究員)
- 吉田健太郎 (神戸大学先端融合研究環 助教)
- 宮本 真理 ((株) オックスフォード・ナノポアテクノロジーズ ビジネス&テクニカルアプリケーションマネージャー)