



**「次世代シーケンサーのデータ解析技術」
のワークショップにご応募いただく皆様へ。
あなたの現在の状況とお考えについて教えてください。**

お名前	
所属・役職	

※応募いただく方々が有している技術内容を把握し、開催に向けての参考とするため、下記アンケートへの回答をお願いします。また、各講義において、特に知りたい内容等があれば記入をお願いします。（知識の有無と選考結果は無関係です）

- 1. 研究活動において、次世代シーケンサー(NGS)及びそのデータを利用していますか。該当箇所に○を付けて下さい。(複数選択可)** ※該当内容の左側をクリックすると○、もう一度クリックすると○が削除できます。

<input type="checkbox"/> 自らのサンプルで新規に配列解読している	<input type="checkbox"/> 公共データベース等から得た配列を利用している
<input type="checkbox"/> 今までには利用していないが、今後利用を予定している	<input type="checkbox"/> 今のところはっきりした利用予定はない

- 2. 問1でデータを利用している場合、NGSのデータ解析を行っていますか。該当箇所に○を付けて下さい。(複数選択可)**
※該当内容の左側をクリックすると○、もう一度クリックすると○が削除できます。

<input type="checkbox"/> データ解析を自分でやっている	<input type="checkbox"/> 同僚や共同研究者がデータ解析を行っている
<input type="checkbox"/> 外部の業者にデータ解析を依頼している	<input type="checkbox"/> データが死蔵されてしまっている

- 3. 問2でデータ解析を自ら行う(予定の場合)、最も望ましいと考えている作業環境について、1つを選び、該当箇所に○を付けて下さい。** ※該当内容の左側をクリックすると○、もう一度クリックすると○が削除できます。

<input type="checkbox"/> サーバーにログインしてコマンド入力する	<input type="checkbox"/> 普段利用しているパソコンでプログラムを動作させて行う
<input type="checkbox"/> Web サービスを利用する	<input type="checkbox"/> その他 (具体的に: _____)

- 4. Linux/Unix 環境での作業経験について1つを選び、該当箇所に○を付けて下さい。**

※該当内容の左側をクリックすると○、もう一度クリックすると○が削除できます。

<input type="checkbox"/> 経験は、ほぼ無い	<input type="checkbox"/> 簡単なコマンド入力等是可以	<input type="checkbox"/> プログラムを自分で作成したことがある
-----------------------------------	--	---

- 5. NGS が算出するデータについて、ファイルのフォーマット等、基本的な知識はお持ちですか。**

※レベルに応じて数値の左側をクリックすると○、もう一度クリックすると○が削除できます。

よく知っている(5 - 4 - 3 - 2 - 1) 全く知らない

特に知りたい内容があればその内容:

- 6. R による統計解析やグラフの作成について、知識はお持ちですか。**

※レベルに応じて数値の左側をクリックすると○、もう一度クリックすると○が削除できます。

よく知っている(5 - 4 - 3 - 2 - 1) 全く知らない

特に知りたい内容があればその内容:

- 7. Linux のコマンドラインでのデータ処理について、知識はお持ちですか。**

※レベルに応じて数値の左側をクリックすると○、もう一度クリックすると○が削除できます。

よく知っている(5 - 4 - 3 - 2 - 1) 全く知らない

特に知りたい内容があればその内容:



**「次世代シーケンサーのデータ解析技術」
のワークショップにご応募いただく皆様へ。
あなたの現在の状況とお考えについて教えてください。**

8. ゲノムのリシーケンシングによる SNP 同定について、知識はお持ちですか。

※レベルに応じて数値の左側をクリックすると○、もう一度クリックすると○が削除できます。

よく知っている(5 - 4 - 3 - 2 - 1)全く知らない

特に知りたい内容があればその内容：

9. ゲノムの新規アセンブルについて、知識はお持ちですか。

※レベルに応じて数値の左側をクリックすると○、もう一度クリックすると○が削除できます。

よく知っている(5 - 4 - 3 - 2 - 1)全く知らない

特に知りたい内容があればその内容：

10. RNA-Seq による大量発現データ解析について、知識はお持ちですか。

※レベルに応じて数値の左側をクリックすると○、もう一度クリックすると○が削除できます。

よく知っている(5 - 4 - 3 - 2 - 1)全く知らない

特に知りたい内容があればその内容：

11. Web ベースの解析サービスである Galaxy について、知識はお持ちですか。

※レベルに応じて数値の左側をクリックすると○、もう一度クリックすると○が削除できます。

よく知っている(5 - 4 - 3 - 2 - 1)全く知らない

特に知りたい内容があればその内容：

12. Galaxy のワークフロー利用等について、知識はお持ちですか。

※レベルに応じて数値の左側をクリックすると○、もう一度クリックすると○が削除できます。

よく知っている(5 - 4 - 3 - 2 - 1)全く知らない

特に知りたい内容があればその内容：

13. 平素から当該分野の研究者とのネットワーク作りに取り組んでいますか。

※レベルに応じて数値の左側をクリックすると○、もう一度クリックすると○が削除できます。

積極的に取り組んでいる(5 - 4 - 3 - 2 - 1)全く取り組んでいない

特に効果的と思われるネットワーク(学会、ML、研究会等)がございましたらお書き下さい。



「次世代シーケンサーのデータ解析技術」
のワークショップにご応募いただく皆様へ。
あなたの現在の状況とお考えについて教えてください。

14. 本ワークショップで習得したいこと、質問したいこと、その他ご要望がございましたらご記入下さい。

※アンケートに記載いただいた内容については、本ワークショップに係ること意外に使用する事はございません。ご協力有難うございました。

